UNIVERSIDADE PAULISTA – UNIP

BEATRIZ REGINA RODRIGUES CARVALHO

OCORRÊNCIA DE Encephalitozoon intestinalis EM TAMANDUÁ BANDEIRA (Myrmecophaga tridactyla) E TATUS (Priodontes maximus, Euphractus sexcinctus, Cabassous u. squamicaudis) DO MATO GROSSO DO SUL – BRASIL

BEATRIZ REGINA RODRIGUES CARVALHO

OCORRÊNCIA DE Encephalitozoon intestinalis EM TAMANDUÁ BANDEIRA (Myrmecophaga tridactyla) E TATUS (Priodontes maximus, Euphractus sexcinctus, Cabassous u. squamicaudis) DO MATO GROSSO DO SUL – BRASIL

Dissertação apresentada ao Programa de Pós-Graduação em Patologia Ambiental e Experimental da Universidade Paulista – UNIP, para a obtenção do título de Mestre em Patologia Ambiental e Experimental.

Orientador (a): Prof^a. Dr^a. Maria Anete Lallo

Carvalho, Beatriz Regina Rodrigues.

Ocorrência de *Encephalitozoon intestinalis* em tamanduá bandeira (*Myrmecophaga tridactyla*) e tatus (*Priodontes maximus*, *Euphractus sexcinctus*, *Cabassous u. squamicaudis*) do Mato Grosso do Sul – Brasil / Beatriz Regina Rodrigues Carvalho. - 2023.

32 f.: il. color. + CD-ROM.

Dissertação de mestrado apresentada ao Programa de Pós-Graduação em Patologia Ambiental e Experimental da Universidade Paulista, São Paulo, 2023.

Área de concentração: Patologia Integrada e Translacional. Orientadora: Prof.^a Dr.^a Maria Anete Lallo.

1. Microsporidia. 2. Xenarthra. 3. Saúde única. 4. Zoonose. I. Lallo, Maria Anete (orientadora). II. Título.

Ficha elaborada pelo Bibliotecário Rodney Eloy CRB8-6450

"Dedico este trabalho aos meus avós maternos, "In Memorian", e a minha família, pois sem eles este trabalho e muitos dos meus sonhos não se realizariam."

DISSERTAÇÃO APRESENTADA NO FORMATO DE PAPER A SER ENVIADO PARA O PERIÓDICO VETERINARY PARASITOLOGY

OCORRÊNCIA DE Encephalitozoon intestinalis EM TAMANDUÁ BANDEIRA (Myrmecophaga tridactyla) E TATUS (Priodontes maximus, Euphractus sexcinctus, Cabassous u. squamicaudis) DO MATO GROSSO DO SUL – BRASIL

Beatriz Regina Rodrigues Carvalho¹, Ronalda Silva de Araujo², Danilo Kluyber^{3,4}, Arnaud Léonard Jean Desbiez⁴, Maiara G. Caiaffa⁴, Maria Anete Lallo¹.

¹Programa de Patologia Ambiental e Experimental, Universidade Paulista (UNIP), Rua Doutor Bacelar, 1212, São Paulo, SP, 04026-002, Brasil;

²CETESB-Companhia Ambiental do Estado de São Paulo, Avenida Prof. Frederico Hermann Júnior, 345, São Paulo, SP, 05459900, Brasil.

Os microsporídios são fungos emergentes e oportunistas que infectam uma população

Resumo

1

2

8

analisar

ocorrência

dos

- excepcionalmente diversa de vertebrados e invertebrados. Existem 17 espécies de microsporídios potencialmente zoonóticas identificadas em animais domésticos e silvestres. Os mamíferos da ordem Xenarthra podem abrigar e transmitir diversos patógenos, atuando como importantes fontes de infecção para a disseminação de diversas zoonoses. Como os microsporídios ainda não foram descritos nesse grupo de animais, o objetivo desse estudo foi
- .

microsporidios zoonóticos

Encephalitozoon

- 9 Encephalitozoon intestinalis e Enterocytozoon bieneusi em as fezes de tamanduá bandeira
- 10 (Myrmecophaga tridactyla) e espécies de tatus (Priodontes maximus, Euphractus sexcinctus,
- 11 Dasypus novemcinctus, Cabassous u. squamicaudis) monitoradas pelo ICAS Instituto de
- 12 Conservação de Animais Silvestres. Amostras fecais (n=127) foram submetidas ao tratamento
- de choque térmico (frio e calor) e depois submetidas à extração de DNA com o Kit de extração

³Naples Zoo at the Caribbean Gardens, Florida, Estados Unidos.

⁴ICAS - Instituto de Conservação de Animais Silvestres, Campo Grande, Mato Grosso do Sul, Brasil.

QIAamp fast DNA Stool Mini Kit. A amplificação do material genético do patógeno foi feita pela reação em cadeia de polimerase (PCR) com *primers* genéricos e o produto gerado a partir desta reação foi submetido a Nested PCR com *primers* espécie específicos (EBIEF1/EBIER1 para *E. bieneusi*; ECUNF/ECUNR para *E. cuniculi* e SINTF/SINTR para *E. Intestinalis*). Onze amostras foram positiva para *E. intestinalis*, sendo duas de tamanduá bandeira (2/56, 3,8%), uma de *Priodontes maximus* (1/11, 9%), sete de *Euphractus sexcinctus* (7/57, 13,7%) e uma de *Cabassous u. squamicaudis* (1/3, 33,3%). Houve predomínio de resultados positivos em animais adultos, de ambos os sexos e nos biomas do Pantanal e do Cerrado na região estudada. Concluímos que a prevalência em Xenarthra foi 8,66%, com maior ocorrência em tatus do que em tamanduás. A prevalência nas espécies de tatus foi, em ordem decrescente, maior no tatu do rabo mole, depois no tatu peba e por fim no tatu canastra. Portanto, as espécies de mamíferos silvestres aqui estudadas, tamanduás e especialmente tatus, devem ser consideradas como reservatórios do patógeno e com papel relevante em saúde única.

Palavras-chave: Microsporidia, Microsporidioses, Xenarthra, Saúde Única, Zoonose.

- 30 Occurrence of Encephalitozoon intestinalis In Giant Anteaters (Myrmecophaga tridactyla)
- 31 And Armadillos (Priodontes maximus, Euphractus sexcinctus, Cabassous u. squamicaudis)
- 32 From Mato Grosso Do Sul Brazil
- 33 Abstract
- Microsporidia are emerging, opportunistic fungi that infect an exceptionally diverse population of vertebrates and invertebrates. There are 17 potentially zoonotic species identified in domestic and wild animals. Mammals of the order Xenarthra can harbor and transmit several pathogens,
- 37 acting as important sources of infection for the spread of various zoonoses. As microsporidia
- have not yet been described in this group of animals, the aim of this study was to analyze the

39 occurrence of the zoonotic microsporidia Encephalitozoon cuniculi, E. intestinalis and 40 Enterocytozoon bieneusi in the feces of giant anteater (Myrmecophaga tridactyla) and 41 armadillo species (Priodontes maximus, Euphractus sexcinctus, Dasypus novemcinctus, Cabassous u. squamicaudis) monitored by ICAS - Institute for the Conservation of Wild 42 43 Animals. Fecal samples (n=127) were subjected to thermal shock treatment (cold and heat) and 44 then subjected to DNA extraction with the QIAamp fast DNA Stool Mini Kit Extraction Kit. 45 Amplification by polymerase chain reaction (PCR) was performed with generic primers and 46 the product generated from this reaction was subjected to Nested PCR with specific primers: 47 EBIEF1/EBIER1 for E. bieneusi; ECUNF/ECUNR for E. cuniculi and SINTF/SINTR for E. 48 intestinalis. Eleven samples tested positive for E. intestinalis, two from giant anteater (2/56, 49 3.8%), one from *Priodontes maximus* (1/11, 9%), seven from *Euphractus sexcinctus* (7/57, 50 13.7%) and one from Cabassous u. squamicaudis (1/3, 33.3%). There was a predominance of 51 positive results in adult animals, of both sexes and in the Pantanal and Cerrado biomes. We 52 concluded that the prevalence in Xenarthra was 8.66%, with a higher occurrence in armadillos 53 than in anteaters. The prevalence in armadillo species was, in descending order, higher in the 54 soft-tailed armadillo, then in the peba armadillo and finally in the giant armadillo. Therefore, 55 the species of wild mammals studied here, anteaters and especially armadillos, must be 56 considered as reservoirs of the pathogen and with a relevant role in one health.

57

58

Keywords: Microsporidia, Microsporidiosis, Xenarthra, One health, Zoonosis.

60 Sumário

61	1. Introdução	9
62	2. Métodos	12
63	2.1. Amostras	12
64	2.2. Extração de DNA	13
65	2.3 Amplificação do DNA pela reação em cadeia pela polimerase dupla (Nested PCR)	14
66	2.4. Eletroforese em gel de Agarose	15
67	3. Resultados e Discussão	16
68	4. Conclusão	22
69	5. Agradecimentos	24
70	Referências	25
71		

1. Introdução

O filo Microsporidia compreende mais de 220 gêneros e 1.700 espécies de fungos oportunistas, intracelulares obrigatórios, que infectam uma ampla gama de hospedeiros vertebrados e invertebrados, estando presente em todos os biomas (Magalhães et al., 2022; Ruan et al., 2021; Stentiford et al., 2019). A principal via de transmissão é oro-fecal por meio de esporos, forma infectante, liberados pelos hospedeiros ao longo do ciclo biológico. Os esporos possuem uma parede quitinosa espessa, conferindo a esse patógeno resistência às adversidades do ambiente (Han et al., 2021; Magalhães et al., 2022).

Algumas espécies de microsporídios que infectam humanos também são capazes de infectar outros animais, dando respaldo à transmissão zoonótica, embora a mesma não tenha sido comprovada para todas as espécies de microsporídios (Qiu et al., 2019; Santín and Fayer, 2011; Vahedi et al., 2020). O risco da transmissão dos animais para o homem está ligado ao contato próximo com animais silvestres ou domésticos, de estimação ou criação infectados, assim como pela exposição à água, alimentos ou aerossóis contendo esporos de microsporídios (Santín and Fayer, 2011). Entre os 17 microsporídios zoonóticas descritos, *Enterocytozoon bieneusi, Encephalitozoon intestinalis, Encephalitozoon hellem e Encephalitozoon cuniculi* são as espécies mais comumente relatadas nas infecções de mamíferos (Qiu et al., 2019; Santín et al., 2018). Na microsporidiose humana, a apresentação clínica está relacionada à espécie de microsporídio envolvida e ao *status* imunológico, sendo frequentemente caracterizada por diarreia crônica e emaciação, embora ceratoconjuntivite, hepatite, miosite, infecção renal e urogenital, ascite e/ou colangite também tenham sido relatadas, particularmente em indivíduos imunocomprometidos (Han et al., 2021).

Os esporos de microsporídios liberados por hospedeiros infectados pelas fezes, urina ou estão presente nas carcaças de animais infectados e podem ser dispersos pela água e por

alimentos. A detecção de diferentes espécies de microsporídios zoonóticos em águas superficiais de abastecimento municipal (Izquierdo et al., 2011), efluentes hospitalares (Jiang et al., 2020), efluentes de esgoto terciário e águas subterrâneas (Dowd et al., 2003; Jiang et al., 2020) corroboram para a veiculação hídrica desses fungos. Adicionalmente, foram observados relatos de detecção de esporos em alimentos (Javanmard et al., 2018; Stentiford et al., 2016).

O caráter zoonótico de algumas espécies de microsporídio no ambiente demonstra sua importância dentro do contexto de saúde única, que aborda a importância da saúde animal, ambiental e humana, formando uma rede de conexões interdependente que podem garantir a saúde de todos os elos envolvidos (Mazet et al., 2009).

As populações humanas e animais estão cada vez mais vulneráveis a novos agentes patogênicos como resultado de vários fatores ambientais que causam disruptiva nos ecossistemas. Um exemplo é o aumento do desmatamento, desencadeando a destruição e fragmentação de diversos habitats, favorecendo a emergência de doenças. Esse impacto na saúde é o resultado da aproximação de animais silvestres com a populações humana e de animais domésticos, o que favorece a emergência de doenças em todos os níveis (Povill et al., 2018). Ainda é relevante considerar inúmeros fatores que determinam o comprometimento da resposta imunitária e torna os hospedeiros mais suscetíveis (Zanella, 2016)

E. bieneusi é o microsporídio mais encontrado na população humana e nos animais silvestres, sendo descrito em lince, lobo, raposa vermelha, javali, lagomorfos, roedores, cervos, guaxinins (Amer et al., 2019; Dashti et al., 2022; Figueiredo et al., 2023; Ni et al., 2021; Zhang et al., 2018); nos animais de produção, foi observada prevalência de 59,3% da espécie *E. bieneusi* em suínos (Fiuza et al., 2015), 17,5% em bovinos (Da Silva Fiuza et al., 2016), 19,2% em carneiros (Fiuza et al., 2016) e 15,9% em frangos (Da Cunha et al., 2016). Essa mesma espécie de microsporídio foi encontrada em gatos domésticos (3,3%) (Prado et al., 2019). No Brasil, foi demonstrada a ocorrência de microsporídios em animais silvestres,

sendo os achados referentes fezes de quatis do parque ecológico de São Paulo (Lallo et al.,2010). Contudo, são escassas as informações sobre outros animais silvestres e outras espécies de microsporídios patogênicos, fato que motivou essa pesquisa.

O Mato Grosso do Sul é um estado com grande diversidade em termos de fitofisionomias, abrangendo três biomas Neotropicais distintos: Cerrado; Mata Atlântica; Pantanal; consequentemente apresenta elevada diversidade faunística (Da Silva et al., 2010). Nesses biomas, coexistem animais silvestres, domésticos e populações humanas, sendo a área recortada por uma malha rodoviária do estado é de 13.258,9 km em 142 rodovias. O projeto Bandeiras e Rodovias foi criado para entender a alta taxa de mortalidade de tamanduás-bandeira e reduzir as colisões veiculares com a fauna nas rodovias do Mato Grosso do Sul (ICAS, 2023). Esse projeto abrange 19 trechos de 16 rodovias, considerando como prioridades o monitoramento de áreas de maior abundância de fauna, locais com alto índice de atropelamento ou travessia de animais, trechos da rodovia que tangenciam ou que interceptam áreas de conservação, zonas úmidas, terras indígenas e quilombolas; áreas remanescentes de vegetação nativa; área com corpos de água, áreas de reprodução, dessedentação e dispersão de animais silvestres; áreas com ocorrência de espécies ameaçadas; áreas com potencial agrícola e áreas urbanas.

O tamanduá-bandeira é um mamífero sul-americano listado como vulnerável à extinção pelas União Internacional de Conservação da Natureza (IUCN, 2022), sendo a espécie animal escolhida para denominar o projeto Bandeiras e Rodovias. O tatu canastra, a maior espécie de tatu, também foi incorporado ao grupo estudado por estar descrito como espécie vulnerável na lista vermelha da IUCN e ser encontrado na área do cerrado e Pantanal. Diante da vulnerabilidade dessas duas espécies de mamíferos e de sua importância para os biomas brasileiros, o objetivo deste trabalho foi analisar a ocorrência dos microsporídios zoonóticos *Encephalitozoon cuniculi, Encephalitozoon intestinalis*, e *Enterocytozoon bieneusi* nas fezes de

tatus e tamanduá bandeira monitorados pelo Projeto Bandeiras e Rodovias no estado do Mato Grosso do Sul.

2. Métodos

2.1. Amostras

Amostras fecais de *Myrmecophaga tridáctila* (n=56), *Priodontes maximus* (n=11), *Euphractus sexcinctus* (n=51), *Dasypus novemcinctus* (n=06) e *Cabassous u. squamicaudis* (n=03) foram doadas pelo Instituto de Conservação de Animais Silvestres (ICAS), localizado em Campo Grande, Mato Grosso do Sul, Brasil, com as seguintes coordenadas geográficas: Latitude: 7° 36′ 0″ Sul, Longitude: 37° 48′ 0″ Oeste. Essas amostras, pertencentes à animais de vida livre dos biomas Cerrado e Pantanal (Figura 1), foram coletadas por veterinários responsáveis pelo plano de conservação, realizado com periodicidade mensal de abril a dezembro nos anos de 2022 e 2023, sustentado pelo projeto Bandeiras e Rodovias e Programa de Conservação do Tatu-Canastra. Ambos os projetos de pesquisa ocorrem sob as licenças aprovadas e emitidas pelo Instituto Chico Mendes de Conservação da Biodiversidade – ICMBIO, sob os números 27587-15 e 53798. A coleta foi realizada após a anestesia destes animais, diretamente do reto de cada indivíduo. As amostras de fezes foram colocadas em tubos de coleta sem conservante e congeladas a -20°C, por no máximo quatro semanas. No Centro de Pesquisas da Universidade Paulista (UNIP), campus Indianópolis, também foram mantidas sob as mesmas condições de refrigeração e descongeladas no dia da extração.

Ao total foram coletadas e analisadas 127 amostras de 5 distintas espécies, de ambos os

sexos, sendo filhotes, jovens e adultos (Quadro 1).

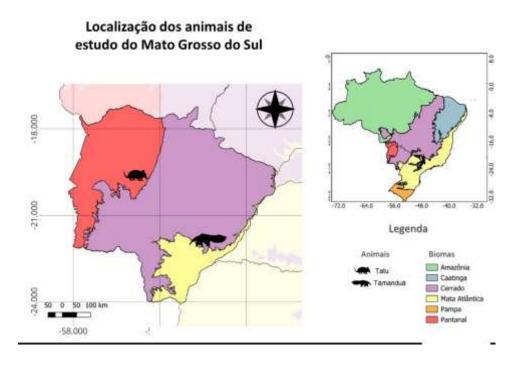


Figura 1. Mapa do Brasil evidenciando o estado do Mato Grosso do Sul, com delimitação dos biomas e localização aproximada dos animais analisados.

2.2. Extração de DNA

As amostras fecais individualizadas foram descongeladas e 220 mg separadas em tubos com capacidade de 2 mL. Em seguida, foram submetidas a extração do DNA total, por meio do *kit* comercial *QIAamp fast DNA Stool Mini Kit* (Qiagen, Hilden, Alemanha) e processadas de acordo com as instruções do fabricante. Foi realizado um tratamento prévio de aquecimento a 95°C por cinco minutos em banho-maria e congelamento por cinco minutos em gelo seco (YU et al., 2008). O DNA extraído foi armazenado a -20C até a amplificação pela PCR.

Quadro 1. Espécies de mamíferos pertencentes as amostras coletadas, sexo e idade dos indivíduos.

Espécie	Nome popular	Número por sexo	Número por idade	Número total de amostras analisadas
	1 1			
Myrmecophaga	Tamanduá	26 machos	19 filhotes	56
tridactila	bandeira	30 fêmeas	18 jovens	
			19 adultos	
Euphractus	Tatu peba	30 machos	01 filhote	51
sexcinctus		21 fêmeas	03 jovens	
			47 adultos	
Priodontes	Tatu	02 machos	01 filhote	11
maximus	canastra	09 fêmeas	10 adultos	
Dasypus	Tatu	04 machos	06 adultos	06
novemcinctus	galinha	02 fêmeas		
Cabassous u.	Tatu do	02 machos	03 adultos	03
Squamicaudis	rabo mole	01 fêmeas		

2.3 Amplificação do DNA pela reação em cadeia pela polimerase dupla (Nested PCR)

Na primeira PCR foram utilizados os *primers* genéricos *Forward* e *Reverse* amplificando um fragmento de 1216 pb. Em seguida, foram utilizados *primers* específicos para a identificação das principais espécies de microsporídios conforme descritos no Quadro 2. A primeira PCR foi realizada com volume final de 25 μL cada, contendo: 5 μL de DNA, 13,5 μL de água ultrapura q.s.p, 5 μL de tampão 5X (contendo 1,5 mM de MgCl₂), 0,2 mM de cada deoxinucleotídeo trifosfato (dATP, dCTP, dGTP e dTTP) (InvitrogenTM), 0,3 μM de cada *primer* (Exxtend do Brasil) e 1,25U de GoTaq® DNA Polymerase (Promega). O volume de 3,0 μL da primeira PCR foi transferido para novos tubos e submetidos à segunda reação utilizando os *primers* espécie-específicos.

A primeira e segunda PCR foram incubadas em termociclador (Mastercycler gradient, Eppendorf), e submetidas nas seguintes condições: desnaturação inicial a 95°C por 5 minutos;

seguida de 35 ciclos de amplificação compostos de desnaturação inicial a 95°C por 1 minuto; anelamento a 55°C por 1 minuto; extensão por 60 segundos; e extensão final á 95°C por 10 minutos.

Quadro 2. Primers utilizados para o diagnóstico de microsporídios através da PCR.

Microsporídios	Tamanho do	Forward sequence (5'-3')	Reverse sequence (5'-3')	Referência
	fragmento (pb)			
Genérico		CACCAGCTTGATTCTGCC	GACGGCGGTGTGTACA	Da Silva et
GENF/GENR	1216 pbs	TG	AAG	al., 1997
Enterocytozoon		GAAACTTGTCCACTCCCT	CCATGCACCCACTCCTG	Da Silva et
bieneusi	607 pbs	TACG	CCATT	al., 1996
EBIEF1/EBIER1				
Encephalitozoon		ATGAGAAGTGATGTGTG	TGCCATGCACTCACAGG	De Grote et
cuniculi	<i>549</i> pbs	TGCG	CATC	al, 1995
ECUNF/ECUNR				
Encephalitozoon		TATGAGAAGTGACTTTTT	CCGTCCTCGTTCTCCTGC	Da Silva et
Intestinalis	<i>520</i> pbs	TTC	CCG	al., 1997
ISINTF/SINTR				

2.4. Eletroforese em gel de Agarose

As amostras amplificadas na segunda PCR foram coradas com 0,5 uL de SYBR ™ Safe (Invitrogen ™) e submetidas à eletroforese em gel de agarose 1,5% (Amersham Bioscience), sob intensidade de corrente de 6v/cm. O tamanho dos fragmentos foi estimado por comparação com o marcador de peso molecular 100bp Plus DNA Ladder (Invitrogen ™). O gel foi visualizado em fonte de luz ultravioleta (Life Technologies™).

3. Resultados e Discussão

Das 127 amostras fecais de tamanduás e tatus 8,66% (11/127), foram positivas para microsporídios, sendo todas as amostras positivas da espécie de *E. intestinalis* (Tabela 1). Inicialmente, esse microsporídio era conhecido como *Septata intestinalis* (Cali et al., 1993; Hartskeerl et al., 1995), porém análises moleculares mostraram que pertence ao gênero *Encephalitozoon*.

Encephalitozoon é a espécie de microsporídio mais prevalente em seres humanos e tem os enterócitos como célula-alvo causando diarreia em indivíduos imunocompetentes e imunocomprometidos. Em pacientes com doença de Crohn, E. intestinalis pode ter prevalência de até 30% (Andreu-Ballester et al., 2013), mostrando a importância desse microsporídio associado às doenças que causam imunossupressão. Particularmente em indivíduos imunodeficientes, especialmente com AIDS avançada, a infecção por E. intestinalis pode levar a enterite grave com disseminação para os rins e o trato hepatobiliar (Cali et al., 1993; El Fakhry et al., 2001; Hamamci et al., 2015; Raynaud et al., 1998; Van Gool et al., 1997). A maioria dos estudos envolvendo mamíferos silvestres, a espécie E. bieneusi é mais frequente (Galván-Díaz et al., 2014; Li & Xiao, 2021), no presente estudo foi detectado, pela primeira vez, E. intestinalis, nas fezes de Myrmecophaga tridáctila, Euphractus sexcinctus, Priodontes maximus e Cabassous u. Squamicaudis. Diante a importância zoonótica dessa espécie de microsporídio, esses resultados são de extrema relevância e mostra a necessidade de incluir essa espécie de microsporídio nos estudos epidemiológicos.

Quadro 3. Distribuição das amostras coletadas e analisadas pela espécie de mamífero, total de amostras analisadas pela espécie, número de amostras positivas para *Encephalitozoon intestinalis* e percentual dentro da espécie de hospedeiro e microsporídio identificado.

Espécie de mamífero	Número absoluto de amostras analisadas	Número de amostras positivas	Percentual (%) de amostras positivas relativo à espécie de mamífero	Espécie de microsporídio identificada
Myrmecophaga tridactila	56	2	3,8	Encephalitozoon intestinalis
Cabassous u. Squamicaudis	3	1	33,3	Encephalitozoon intestinalis
Priodontes maximus	11	1	9,0	Encephalitozoon intestinalis
Euphractus sexcinctus	51	7	13,7	Encephalitozoon intestinalis
Dasypus novemcinctus	6	0	0	-

Myrmecophaga tridactyla (Pilosa: Myrmecophagidae) é uma espécie vulnerável e ameaçada de extinção. No Brasil, é considerada possivelmente extinta nos estados do Rio de Janeiro, Espírito Santo, Santa Catarina, Rio Grande do Sul e com risco significativo de desaparecimento na América Central (Miranda et al., 2014). O surgimento de um patógeno para uma espécie em extinção oferece uma ameaça potencial à conservação, causando preocupação quanto a preservação desta espécie. Assim, a ocorrência de microsporídios em tamanduá passa a ser um fator preocupante.

Ao discriminar os mamíferos analisados, a prevalência de *E. intestinalis* em *Myrmecophaga tridactyla* foi de 3,8% (2/56) (Quadro 3, Figura 2A, 2B, 2C). Como não existem descrições anteriores, considerando-se mamíferos silvestres como base de comparação, resultado semelhante foi

identificado em pandas (4%, 8/198), porém o estudo utilizou *primers* genéricos para *Encephalitozoon* (Yang et al., 2023). Arenales et al. (2020) descreveram diversos patógenos que acometem tamanduá bandeira, abrangendo infecções bacterianas, virais e fúngicas e, mais recentemente, foi descrito o primeiro caso de infecção natural por SARS-CoV-2 nesse mamífero (Pereira et al., 2022).

Adicionalmente, um achado raro e importante foi que as duas amostras positivas para *E. intestinalis* pertenciam a uma fêmea e o seu filhote. As fêmeas de tamanduá bandeira geralmente têm um único filhote por gestação com um longo período de cuidado parental, sendo que o filhote permanece no dorso da mãe por 6 a 9 meses até adquirir independência. Inicialmente sua alimentação é baseada na amamentação, porém à medida que cresce, começa a adotar os hábitos alimentares da mãe (Medri et al., 2011). Assim, podemos hipotetizar que ambos se infectaram pela ingestão de esporos contaminantes na natureza na alimentação ou na água. Contudo, um estudo experimental demonstrou a transmissão vertical pela transplacenta em coelhas infectadas por *Encephalitozoon cuniculi* (Baneux, Pognan, 2003). Adicionalmente, em raposas, cães domésticos e esquilos relata-se a transmissão transplacentária (vertical) como um importante mecanismo de disseminação da doença, porém pouco explorado (Ruan et al., 2021). Diante dos fatos relacionados à transmissão de microsporídios, não se pode descartar a possibilidade de transmissão transplacentária entre a mãe e seu filhote.

Os tatus (ordem Cingulatas) possuem hábito de forrageamento alimentar diversificados podendo se alimentar de formigas, cupins, frutos, pequenos vertebrados e até mesmo alimentos em decomposição, o que os torna predispostos a se infectarem e serem reservatórios de diversos patógenos (Capellão R.T. et al., 2015; Deps et al., 2003). São animais que escavam tocas para se abrigarem e com isso são expostos a diversos patógenos existentes no solo como fungos, outros animais também acabam fazendo uso de suas tocas e podem estar expostos aos agentes zoonóticos (Souza, 2017).

Em tatus, a ocorrência de *E. intestinalis* foi de 12,67%, com 09 animais positivos entre as 71 amostras pesquisadas (Quadro 3). Duas amostras fecais positivas, coletadas em períodos diferentes, pertenciam a uma fêmea de tatu canastra da espécie *Priodontes maximus*, 7 amostras positivas eram procedentes de tatus pebas *Euphractus sexcinctus* e 1 de tatu do rabo mole *Cabassous u. squamicaudis* (Figura 2A, 2B, 2C). Outras zoonoses já foram identificadas em tatus, como por exemplo, coccidioidomicose, hanseníase, toxoplasmose e doença de Chagas, as quais podem ser transmitidas para outros mamíferos e ao homem, pelo consumo da carne do tatu, uso da carapaça para fazer adornos ou ainda o uso medicinal (Ferreira et al., 2021). Diante dessa situação, reforçamos que a prevalência de *E. intestinalis* em tatus é um achado muito preocupante considerando os aspectos zoonóticos já citados.

Nesse estudo, os tatus canastra estavam geograficamente localizados no bioma Pantanal (Figura 2C), numa área mais preservada, sem grandes interferências urbanas, na mesma área está localizado os tatus peba, tatus galinha e tatus do rabo mole, porém esses podem estar mais próximos da sede da fazenda. Já os tamanduás estão no bioma Cerrado (Figura 2C), bioma mais degradado, com grande interferência rural, onde compartilham dos mesmos corpos hídricos que os demais animais da fazenda. Os microsporídios podem ser veiculados pela água o que constitui uma das formas mais prováveis de disseminação da infecção (Prado & Sato, 2017). Ainda, deve-se considerar o fato de que os tatus e os tamanduás, descritos neste trabalho, compartilham de mananciais de uso comum aos animais da fazenda, podendo estas zoonoses ser facilmente transmitidas para entre esses animais e a população humana que faz uso dos recursos fornecidos por essa fazenda.

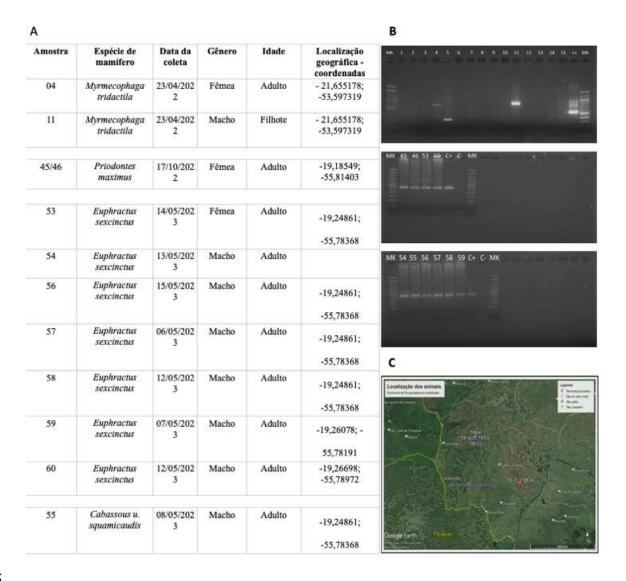


Figura 2. Dados adicionais de identificação dos animais positivos para *E. intestinalis*. A) Quadro com o número de identificação da amostra, a espécie de mamífero, data da coleta, gênero, idade e localização geográfica no momento da coleta. B) Registro fotográfico dos géis de agarose revelando positividade para *E. intestinalis*. C) Imagem via satélite, foto documentada em 25/10/2023 do Google Earth correspondendo à localização geográfica dos animais.

A pecuária extensiva é dominante, com estimativa de criação de 18.433.728 cabeças de gado em 2022 (IBGE, 2022). A pecuária ocorre nas regiões de coleta das amostras, o que representa uma situação de risco pelo contato próximo entre animais domésticos e silvestres. O microsporídio *E*.

bieneusi já foi encontrado em 17,5% de amostras fecais de bovinos no estado do Rio de Janeiro, com maior prevalência em bezerros com menos de 2 meses de idade (27,6%) e entre 3 e 8 meses de idade (28,8%) versus novilhas (14,1%) e adultos (1,4%) (da Silva Fiuza et al., 2016). O estudo citado revelou uma situação epidemiológica importante na bovinocultura brasileira com o microsporídios *E. bieneusi*, portanto poderíamos hipotetizar que o gado possa ser fonte de infecção de outros microsporídios para animais silvestres, como observado nessa pesquisa. Da Silva et al., (2008) registraram a primeira ocorrência de *Cryptosporidium* sp em fezes de Tamanduá mirim (*Tamandua tetradactyla*), associado ao quadro clínico de diarreia, causada pelo patógeno. Os autores atribuíram a veiculação hídrica como via de transmissão e reforça a possibilidade de a atividade pecuária ter sua participação, fato que reforça as suspeitas aqui descritas.

Os esporos de microsporídio possuem uma parede rígida contendo quitina, que os confere maior resistência no meio ambiente (Taghipour et al., 2022), porém o que torna a extração de seu DNA um desafio, pois não se rompe facilmente, fazendo-se necessária adoção de técnicas alternativas e ou/suplementares para a extração do DNA. Nós utilizamos o pré-tratamento com choque térmico, para melhoramento dos resultados obtidos. Das 127 amostras 8,66% positivas para *E. intestinalis*, número que poder ser subestimado devido às características referidas da parede dos esporos e a presença de vários inibidores de PCR nas amostras fecais de origem ambiental, fatores que dificultam sua expressão gênica.

A técnica de PCR é o mais indicado e eficiente para a detecção de microsporídios intestinais (Müller et al., 1999; Saigal et al., 2013), trazendo com sigo, além da identificação da espécie, informações moleculares, que pode ser investigada através de seu sequenciamento. A nPCR, com primers espécie-especifico, utilizada neste estudo, permite maior sensibilidade e especificidade dos resultados obtidos (Bonin and Dotti, 2011).

O conhecimento das moléstias que acometem mamíferos silvestres é fundamental por distintos aspectos. O comprometimento da saúde de animais infectados com a presença ou não

de quadros clínicos relacionados e, portanto, a questão de conservação do mamífero envolvido, os quais muitas vezes já estão em risco, ou são espécies ameaçadas. Outra questão relevante de saúde única é o encontro de patógenos zoonóticos, como os microsporídios, tornando animais infectados fontes do patógeno na natureza, fenômeno de risco para a ocorrência de epidemias. Myrmecophaga tridactyla assim como o Periodontes maximus sofrem constantemente com a perda acelerada de seu habitat (Desbiez et al., 2022), levando-o a lista de animais vulneráveis a extinção pela IUCN (2022) e em risco de extinção na maioria dos estados brasileiros (ICMBIO, 2018) essas espécies já se encontram no plano de manejo para a proteção e preservação, sendo assim, conhecer suas zoonoses corrobora com medidas cautelares para sua preservação. As zoonoses podem ser exemplos didáticos no contexto de saúde única, sendo possível observar os 3 pilares envolvidos, ambiental, humana e animal (Deps et al., 2003). Como os microsporídios são patógenos emergentes de interesse global, ampliar o conhecimento de sua circulação no meio ambiente é fundamental para conhecer a epidemiologia desses patógenos e proposição de medidas mitigatórias visando a saúde única, uma vez que a disseminação da infecção em todos os biomas pode ser dar pelo consumo de água e alimentos contaminados (Stentiford et al., 2016).

Até a presente descrição não há relatos da presença das espécies de microsporídios nas fezes dos animais envolvidos na amostragem deste estudo, fato que demonstra a relevância dos nossos resultados, em especial pela questão zoonótica da espécie identificada.

349

350

351

352

353

354

330

331

332

333

334

335

336

337

338

339

340

341

342

343

344

345

346

347

348

4. Conclusão

Para finalizar, concluímos que a prevalência em Xenarthra foi 8,66%, com maior ocorrência em tatus (12,67%) do que em tamanduá bandeira (3,8%). Entre as espécies de tatus incluídas na amostragem, em ordem decrescente observamos com maior ocorrência tatu do rabo mole (*Cabassous u. squamicaudis*, 33,3%), tatu peba (*Euphractus sexcinctus*, 13,7%) e tatu

canastra (*Priodontes maximus*, 9%). Portanto, essas espécies de mamíferos devem ser consideradas como fontes de infecção do patógeno e com papel relevante em saúde única.

358	5. Agradecimentos
359	Ao Instituto de Conservação de Animais Silvestres – ICAS, Projeto Bandeiras e Rodovias e
360	Programa de Conservação do Tatu Canastra, pela parceria e doação das amostras.
361	
362	6. Financiamento
363	Este trabalho foi apoiado pela Coordenação de Aperfeiçoamento de Pessoal de Nível Superior

- CAPS pela concessão da bolsa PROSUP. Número do processo 88887.804490/2023-00.

Referências

366	Amer, S., Kim, S., Han, JI., Na, KJ., 2019. Prevalence and genotypes of Enterocytozoon
367	bieneusi in wildlife in Korea: a public health concern. Parasit Vectors 12, 160.
368	https://doi.org/10.1186/s13071-019-3427-6
369	Andreu-Ballester, J.C., Garcia-Ballesteros, C., Amigo, V., Ballester, F., Gil-Borrás, R.,
370	Catalán-Serra, I., Magnet, A., Fenoy, S., Aguila, C. del, Ferrando-Marco, J., Cuéllar,
371	C., 2013. Microsporidia and Its Relation to Crohn's Disease. A Retrospective Study.
372	PLoS One 8, e62107. https://doi.org/10.1371/journal.pone.0062107
373	Arenales, A., Gardiner, C.H., Miranda, F.R., Dutra, K.S., Oliveira, A.R., Mol, J.P., Texeira
374	da Costa, M. EL, Tinoco, H.P., Coelho, C.M., Silva, R.O., Pinto, H.A., Hoppe, E.G.,
375	Werther, K., Santos, R.L., 2020. Pathology of Free-Ranging and Captive Brazilian
376	Anteaters. J Comp Pathol 180, 55–68. https://doi.org/10.1016/j.jcpa.2020.08.007
377	Baneux, P.J.R., Pognan, F., 2003. In utero transmission of Encephalitozoon cuniculi strain
378	type I in rabbits. Lab Anim 37, 132–138.
379	https://doi.org/10.1258/00236770360563778
380	Bonin, S., Dotti, I., 2011. Nested-PCR, in: Guidelines for Molecular Analysis in Archive
381	Tissues. Springer Berlin Heidelberg, Berlin, Heidelberg, pp. 111-114.
382	https://doi.org/10.1007/978-3-642-17890-0_22
383	Cali, A., Kotler, D.P., Orenstain, J.M., 1993. Septata Intestinalis N. G., N. Sp., an
384	Intestinal Microsporidian Associated With Chronic Diarrhea and Dissemination In
385	Aids Patients. Journal of Eukaryotic Microbiology 40, 101-112.
386	https://doi.org/10.1111/j.1550-7408.1993.tb04889.x
387	Capellão R.T., Lazar, A., Bonvicio C.R., 2015. Infecção natural por agentes zoonóticos
388	em tatus (Mammalia: Cingulata) na América do Sul. Bol. Soc. Bras. Mastozool.

389	Da Cunha, M.J.R., Cury, M.C., Santín, M., 2016. Widespread presence of human-
390	pathogenic Enterocytozoon bieneusi genotypes in chickens. Vet Parasitol 217, 108-
391	12. https://doi.org/10.1016/j.vetpar.2015.12.019
392	Da Silva A.S, Soares C.D.M, Gressler L.T, Lara V.M, Carregaro A.B, Monteiro S.G.,
393	2008. Criptosporidíase gastrintestinal em tamanduá-mirim (Tamandua tetradactyla).
394	Rev. Bras. Zoociências 10.
395	Da Silva Fiuza, V.R., Lopes, C.W.G., de Oliveira, F.C.R., Fayer, R., Santin, M., 2016.
396	New findings of Enterocytozoon bieneusi in beef and dairy cattle in Brazil. Vet
397	Parasitol 216, 46–51. https://doi.org/10.1016/j.vetpar.2015.12.008
398	Da Silva, M.A., Da Silva, J.D.S.V., Ferrari, D.L., Augusto, R., Lamparelli, C., 2010.
399	Vegetação natural e área antrópica em Mato Grosso do Sul até o ano de 2002.
400	Dashti, A., Santín, M., Köster, P.C., Bailo, B., Ortega, S., Imaña, E., Habela, M.Á., Rivero-
401	Juarez, A., Vicente, J., WE&H group, Arnal, M.C., de Luco, D.F., Morrondo, P.,
402	Armenteros, J.A., Balseiro, A., Cardona, G.A., Martínez-Carrasco, C., Ortiz, J.A.,
403	Calero-Bernal, R., Carmena, D., González-Barrio, D., 2022. Zoonotic
404	Enterocytozoon bieneusi genotypes in free-ranging and farmed wild ungulates in
405	Spain. Med Mycol 60. https://doi.org/10.1093/mmy/myac070
406	Deps, P.D., Faria, L.V., Gonçalves, V.C., Silva, D.A., Ventura, C.G., Zandonade, E., 2003.
407	Aspectos epidemiológicos da transmissão da hanseníase em relação a exposição ao
408	tatu. Hansenologia Internationalis: hanseníase e outras doenças infecciosas 28, 138-
409	144. https://doi.org/10.47878/hi.2003.v28.36392
410	Dowd, S.E., John, D., Eliopolus, J., Gerba, C.P., Naranjo, J., Klein, R., López, B., de
411	Mejía, M., Mendoza, C.E., Pepper, I.L., 2003. Confirmed detection of Cyclospora
412	cayetanesis, Encephalitozoon intestinalis and Cryptosporidium parvum in water used
413	for drinking. J Water Health 1, 117–23.

114	El Fakhry, Y., Achbarou, A., Franetich, J., Desportes-Livage, I., Mazier, D., 2001.
115	Dissemination of Encephalitozoon intestinalis, a causative agent of human
116	microsporidiosis, in IFN-γ receptor knockout mice. Parasite Immunol 23, 19-25.
117	https://doi.org/10.1046/j.1365-3024.2001.00351.x
118	Ferreira, I.M., Salla, P. de F., Pacheco, S.M., 2021. Caça, manipulação e consumo de tatu
119	(mammalia: cingulata) e o risco de zoonoses / Hunting, handling and consumption of
120	tatu (mammalia: cingulata) and the risk of zoonoses. Brazilian Journal of
121	Development 7, 71236–71241. https://doi.org/10.34117/bjdv7n7-346
122	Figueiredo, A.M., Dashti, A., Santín, M., Köster, P.C., Torres, R.T., Fonseca, C.,
123	Mysterud, A., Carvalho, J., Sarmento, P., Neves, N., Hipólito, D., Palmeira, J.D.,
124	Teixeira, D., Lima, C., Calero-Bernal, R., Carmena, D., 2023. Occurrence and
125	molecular characterization of Enterocytozoon bieneusi in wild and domestic animal
126	species in Portugal. Med Mycol 61. https://doi.org/10.1093/mmy/myad018
127	Fiuza, V.R. da S., Lopes, C.W.G., Cosendey, R.I.J., de Oliveira, F.C.R., Fayer, R., Santín,
128	M., 2016. Zoonotic Enterocytozoon bieneusi genotypes found in brazilian sheep. Res
129	Vet Sci 107, 196–201. https://doi.org/10.1016/j.rvsc.2016.06.006
130	Fiuza, V.R.S., Oliveira, F.C.R., Fayer, R., Santín, M., 2015. First report of Enterocytozoon
131	bieneusi in pigs in Brazil. Parasitol Int 64, 18–23.
132	https://doi.org/10.1016/j.parint.2015.01.002
133	Galván-Díaz, A.L., Magnet, A., Fenoy, S., Henriques-Gil, N., Haro, M., Gordo, F.P.,
134	Millán, J., Miró, G., del Águila, C., Izquierdo, F., 2014. Microsporidia detection and
135	genotyping study of human pathogenic E. bieneusi in animals from Spain. PLoS One
136	9, e92289. https://doi.org/10.1371/journal.pone.0092289

437	Hamamci, B., Çetinkaya, Ü., Berk, V., Kaynar, L., Kuk, S., Yazar, S., 2015. Prevalence
438	of Encephalitozoon intestinalis and Enterocytozoon bieneusi in Cancer Patients
439	Under Chemotherapy. Mikrobiyol Bul 49, 105–113. https://doi.org/10.5578/mb.8787
440	Han, B., Pan, G., Weiss, L.M., 2021. Microsporidiosis in Humans. Clin Microbiol Rev 34,
441	e0001020. https://doi.org/10.1128/CMR.00010-20
442	Hartskeerl, R.A., Van Gool, T., Schuitema, A.R.J., Didier, E.S., Terpstra, W.J., 1995.
443	Genetic and immunological characterization of the microsporidian Septata
444	intestinalis Cali, Kotler and Orenstein, 1993: reclassification to Encephalitozoon
445	intestinalis. Parasitology 110, 277–285.
446	https://doi.org/10.1017/S0031182000080860
447	IBGE, 2022. Rebanho de Bovinos (Bois e Vacas) [WWW Document]. URL
448	https://www.gov.br/icmbio/pt-br/centrais-de-conteudo/publicacoes/publicacoes-
449	diversas/livro_vermelho_2018_vol2.pdf (accessed 12.4.23).
450	ICAS, 2023. Projeto Bandeiras e Rodovias [WWW Document]. URL
451	https://www.icasconservation.org.br/projetos/bandeiras-e-rodovias/ (accessed
452	1.18.24).
453	ICMBIO, 2018. Instituto Chico Mendes De Conservação Da Biodiversidade: Livro
454	Vermelho [WWW Document]. URL https://www.gov.br/icmbio/pt-br/centrais-de-
455	conteudo/publicacoes/publicacoes-diversas/livro_vermelho_2018_vol2.pdf
456	(accessed 12.4.23).
457	IUCN, 2022. The Iucn Red List Of Threatened Species [WWW Document]. URL
458	https://www.iucnredlist.org/ (accessed 12.4.23).
459	Izquierdo, F., Castro Hermida, J.A., Fenoy, S., Mezo, M., González-Warleta, M., del
460	Aguila, C., 2011. Detection of microsporidia in drinking water, wastewater and

+01	recreational rivers. Water Res 43, 463/–43
462	https://doi.org/10.1016/j.watres.2011.06.033
463	Javanmard, E., Mirjalali, H., Niyyati, M., Jalilzadeh, E., Seyed Tabaei, S.J., Asadzadeh
464	Aghdaei, H., Nazemalhosseini-Mojarad, E., Zali, M.R., 2018. Molecular and
465	phylogenetic evidences of dispersion of human-infecting microsporidia to vegetable
466	farms via irrigation with treated wastewater: One-year follow up. Int J Hyg Environ
467	Health 221, 642-651. https://doi.org/10.1016/j.ijheh.2018.03.007
468	Jean Desbiez, A.L., Kluyber, D., Massocato, G.F., Barreto, L.M., Attias, N., 2022. O que
469	sabemos sobre os tatus do Pantanal? Revisão do conhecimento sobre ecologia,
470	biologia, morfologia, saúde, conservação, distribuição e métodos de estudo. Boletim
471	do Museu Paraense Emílio Goeldi - Ciências Naturais 17, 11-69
472	https://doi.org/10.46357/bcnaturais.v17i1.834
473	Jiang, W., Roellig, D.M., Li, N., Wang, L., Guo, Y., Feng, Y., Xiao, L., 2020. Contribution
474	of hospitals to the occurrence of enteric protists in urban wastewater. Parasitol Res
475	119, 3033–3040. https://doi.org/10.1007/s00436-020-06834-w
476	Lallo, M.A., Calábria, P., Milanello, ; Liliane, Fernandes Bondan, ; Eduardo, n.d. Revista
477	Saúde Ocorrência de microsporídios nas fezes de quatis (Nasua nasua).
478	Li, W., Xiao, L., 2021. Ecological and public health significance of Enterocytozoon
479	bieneusi. One Health 12, 100209. https://doi.org/10.1016/j.onehlt.2020.100209
480	Magalhães, T.R., Pinto, F.F., Queiroga, F.L., 2022. A multidisciplinary review about
481	Encephalitozoon cuniculi in a One Health perspective. Parasitol Res 121, 2463–2479
482	https://doi.org/10.1007/s00436-022-07562-z
483	Mazet, J.A.K., Clifford, D.L., Coppolillo, P.B., Deolalikar, A.B., Erickson, J.D., Kazwala
484	R.R., 2009. A "one health" approach to address emerging zoonoses: the HALI project
485	in Tanzania. PLoS Med 6, e1000190. https://doi.org/10.1371/journal.pmed.1000190

486	Medri, I.M., Mourao, G.D.M.,, Rodrigues, F.H.G., 2011. Ordem Pilosa. Mamiferos do
487	Brasil 2, 91–106.
488	Miranda, F., Bertassoni, A.&, Abba, A.M., 2014. Myrmecophaga tridactyla. The IUCN
489	Red List of Threatened Species. https://doi.org/10.2305/IUCN.UK.2014
490	Müller, A., Stellermann, K., Hartmann, P., Schrappe, M., Fätkenheuer, G., Salzberger, B.,
491	Diehl, V., Franzen, C., 1999. A Powerful DNA Extraction Method and PCR for
492	Detection of Microsporidia in Clinical Stool Specimens. Clinical Diagnostic
493	Laboratory Immunology 6, 243–246. https://doi.org/10.1128/CDLI.6.2.243-
194	246.1999
495	Ni, HB., Sun, YZ., Qin, SY., Wang, YC., Zhao, Q., Sun, ZY., Zhang, M., Yang,
496	D., Feng, ZH., Guan, ZH., Qiu, HY., Wang, HX., Xue, NY., Sun, HT., 2021.
497	Molecular Detection of Cryptosporidium spp. and Enterocytozoon bieneusi Infection
498	in Wild Rodents From Six Provinces in China. Front Cell Infect Microbiol 11,
199	783508. https://doi.org/10.3389/fcimb.2021.783508
500	Pereira, A.H.B., Pereira, G.O., Borges, J.C., de Barros Silva, V.L., Pereira, B.H.M.,
501	Morgado, T.O., da Silva Cavasani, J.P., Slhessarenko, R.D., Campos, R.P., Biondo,
502	A.W., de Carvalho Mendes, R., Néspoli, P.E.B., de Souza, M.A., Colodel, E.M.,
503	Ubiali, D.G., Dutra, V., Nakazato, L., 2022. A Novel Host of an Emerging Disease:
504	SARS-CoV-2 Infection in a Giant Anteater (Myrmecophaga tridactyla) Kept Under
505	Clinical Care in Brazil. Ecohealth 19, 458–462. https://doi.org/10.1007/s10393-022-
506	01623-6
507	Prado, J.B.F., Ramos, C.A. do N., Fiuza, V.R. da S., Terra, V.J.B., 2019. Occurrence of
508	zoonotic Enterocytozoon bieneusi in cats in Brazil. Rev Bras Parasitol Vet 28, 80-
509	90. https://doi.org/10.1590/S1984-296120180096

310	Prado, 1., Sato, M.1.Z., 2017. Impactos das mudanças amoientais globais e desastres sobre
511	a epidemiologia das doenças de veiculação hídrica no Brasil, in: Reduction of
512	Vulnerability to Disasters: From Knowledge to Action. Reduction of vulnerability to
513	disasters: from knowledge to action, p. 377.
514	Raynaud, L., Delbac, F., Broussolle, V., Rabodonirina, M., Girault, V., Wallon, M.,
515	Cozon, G., Vivares, C.P., Peyron, F., 1998. Identification of Encephalitozoon
516	intestinalis in Travelers with Chronic Diarrhea by Specific PCR Amplification. J Clin
517	Microbiol 36, 37-40. https://doi.org/10.1128/JCM.36.1.37-40.1998
518	Ruan, Y., Xu, X., He, Q., Li, L., Guo, J., Bao, J., Pan, G., Li, T., Zhou, Z., 2021. The
519	largest meta-analysis on the global prevalence of microsporidia in mammals, avian
520	and water provides insights into the epidemic features of these ubiquitous pathogens.
521	Parasit Vectors 14, 186. https://doi.org/10.1186/s13071-021-04700-x
522	Saigal, K., Khurana, S., Sharma, A., Sehgal, R., Malla, N., 2013. Comparison of staining
523	techniques and multiplex nested PCR for diagnosis of intestinal microsporidiosis.
524	Diagn Microbiol Infect Dis 77, 248–249.
525	https://doi.org/10.1016/j.diagmicrobio.2013.07.004
526	Souza, D.K. de, 2017. Avaliação da prevalência de patógenos zoonóticos de importância
527	para a saúde pública em tatus de vida livre - Mato Grosso do Sul - Brasil.
528	Universidade de São Paulo, São Paulo. https://doi.org/10.11606/D.99.2017.tde-
529	24012017-081133
530	Stentiford, G.D., Bass, D., Williams, B.A.P., 2019. Ultimate opportunists—The emergent
531	Enterocytozoon group Microsporidia. PLoS Pathog 15, e1007668.
532	https://doi.org/10.1371/journal.ppat.1007668
533	Stentiford, G.D., Becnel, -J J, Weiss, L.M., Keeling, P.J., Didier, E.S., Williams, BA.P.,
534	Bjornson, S., Kent, ML., Freeman, M.A., Brown, M.J.F., Troemel, ER., Roesel,

535	K., Sokolova, Y., Snowden, K.F., Solter, L., 2016. Microsporidia - Emergent
536	Pathogens in the Global Food Chain. Trends Parasitol 32, 336-348.
537	https://doi.org/10.1016/j.pt.2015.12.004
538	Taghipour, A., Bahadory, S., Abdoli, A., Javanmard, E., 2022. A Systematic Review and
539	Meta-analysis on the Global Molecular Epidemiology of Microsporidia Infection
540	Among Rodents: A Serious Threat to Public Health. Acta Parasitol 67, 18-30.
541	https://doi.org/10.1007/s11686-021-00447-8
542	Van Gool, T., Vetter, J.C.M., Weinmayr, B., Van Dam, A., Derouin, F., Dankert, J., 1997.
543	High Seroprevalence of Encephalitozoon Species in Immunocompetent Subjects. J
544	Infect Dis 175, 1020–1024. https://doi.org/10.1086/513963
545	Yang, J., Zeng, Y., Li, C., Liu, S., Meng, W., Zhang, W., He, M., Wang, L., Zuo, Z., Yue,
546	C., Li, D., Peng, G., 2023. Occurrence and Molecular Characteristics of
547	Microsporidia in Captive Red Pandas (Ailurus fulgens) in China. Animals (Basel) 13.
548	https://doi.org/10.3390/ani13111864
549	Zanella, J.R.C., 2016. Zoonoses emergentes e reemergentes e sua importância para saúde
550	e produção animal. Pesqui Agropecu Bras 51, 510-519.
551	https://doi.org/10.1590/S0100-204X2016000500011
552	Zhang, Y., Koehler, A. V, Wang, T., Haydon, S.R., Gasser, R.B., 2018. First detection and
553	genetic characterisation of Enterocytozoon bieneusi in wild deer in Melbourne's
554	water catchments in Australia. Parasit Vectors 11, 2. https://doi.org/10.1186/s13071-
555	017-2577-7
556	